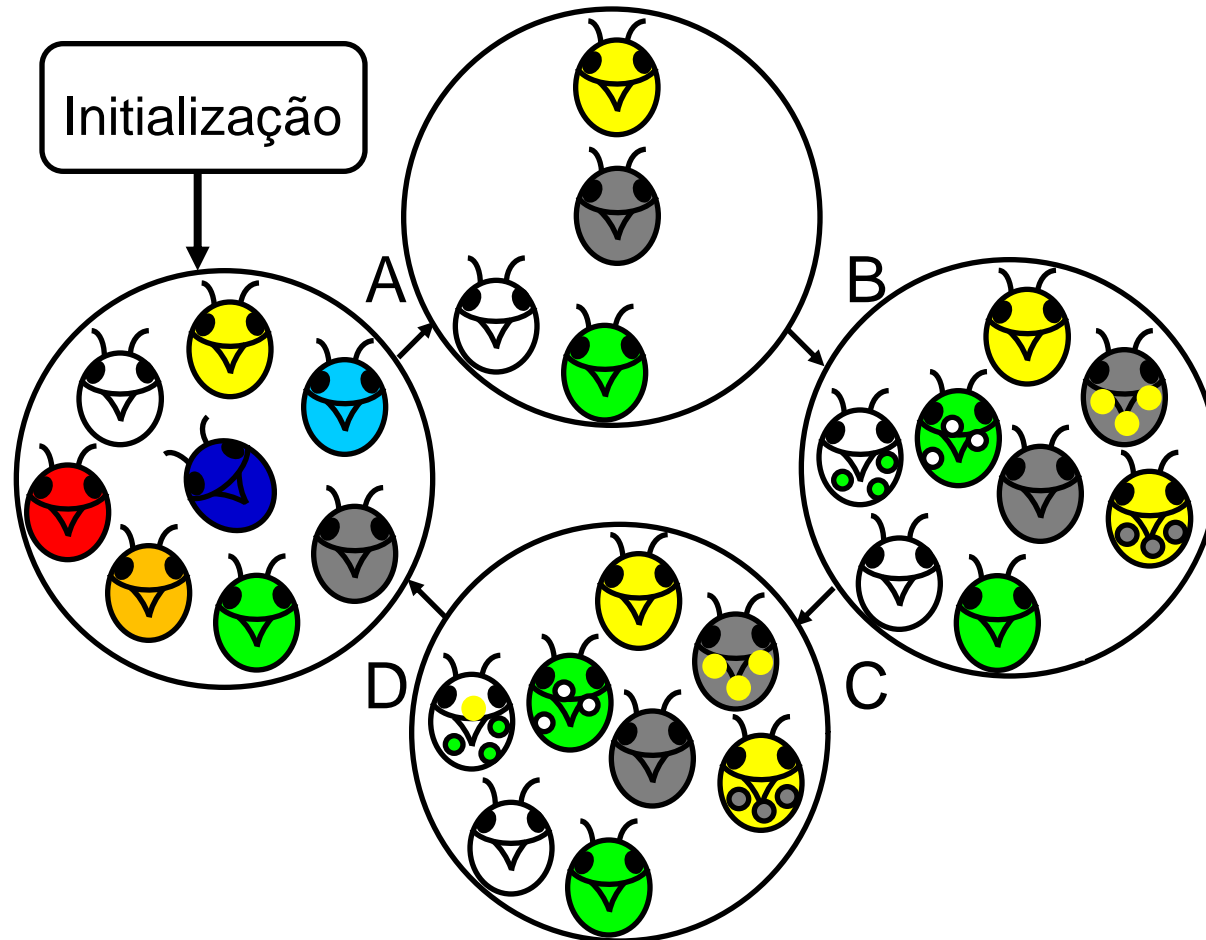


Computação Bioinspirada

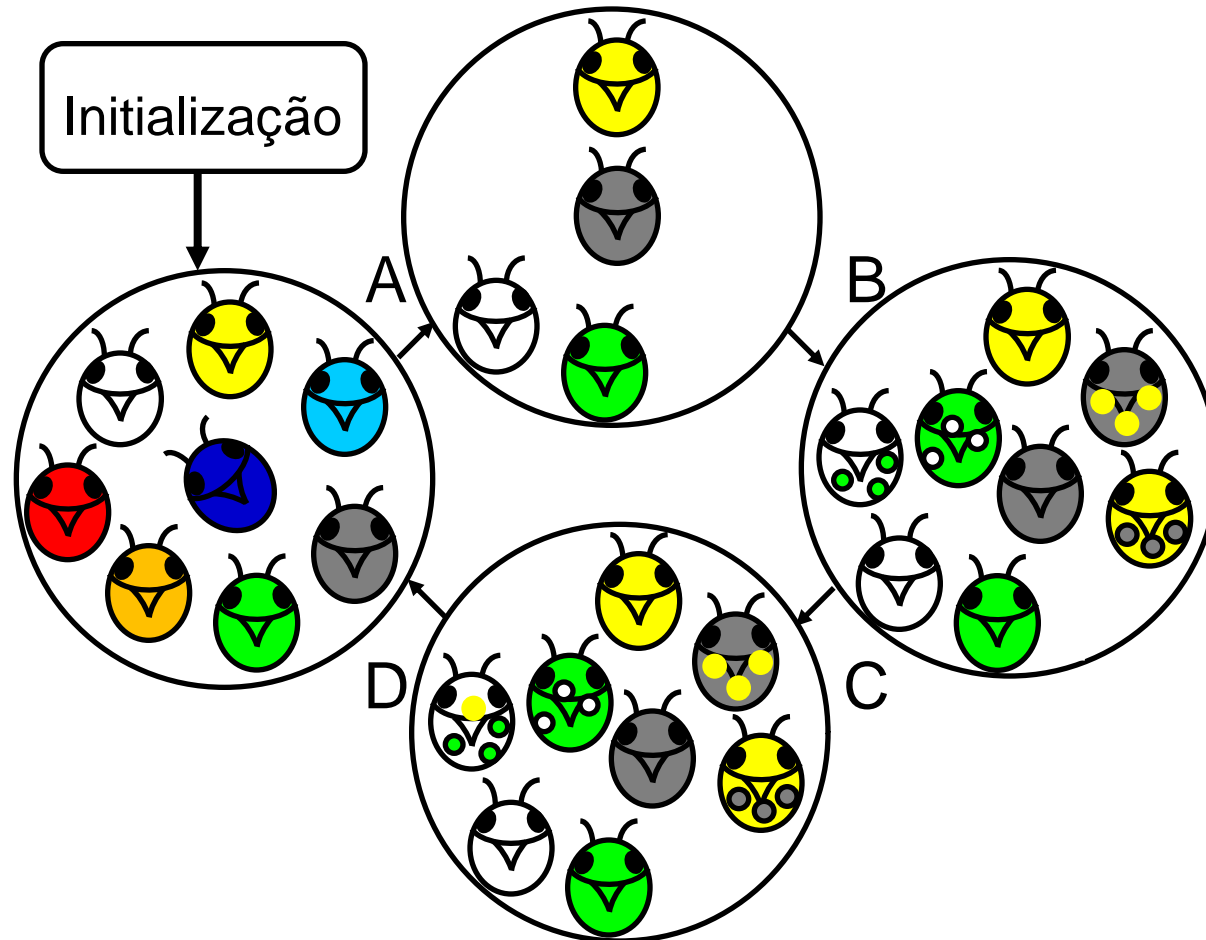
Aula 07



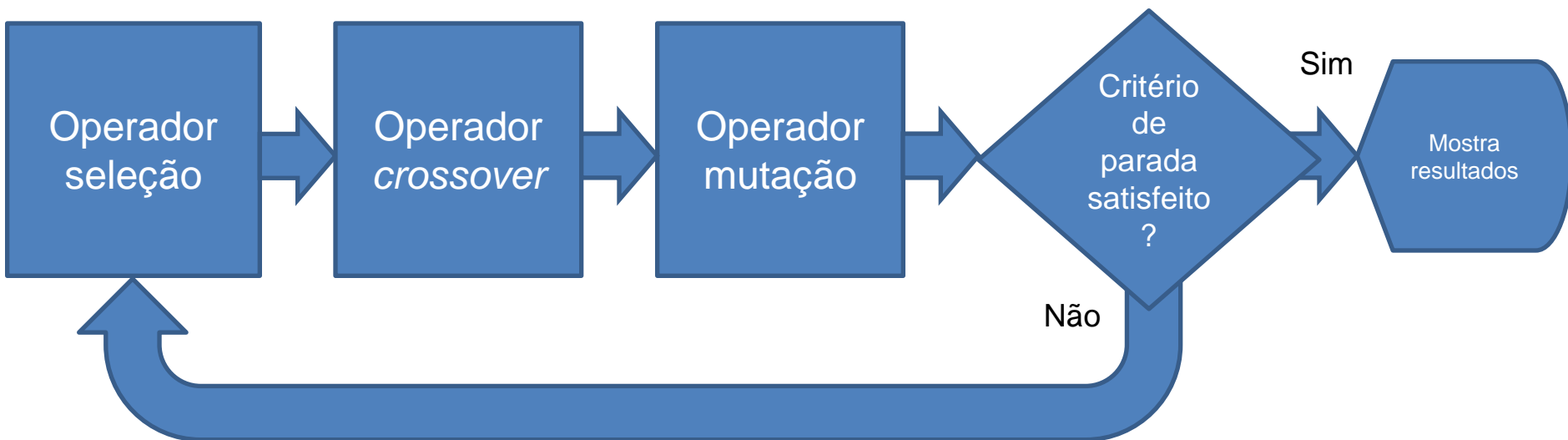
Os últimos algoritmos evolucionários que implementamos estavam baseados na ideia original do algoritmo genético, como ilustrado no diagrama abaixo. No algoritmo genético temos a geração de uma população aleatória (inicialização).



Em seguida temos o operador seleção (A). Na sequência temos o operador *crossover* (B). A população resultante do *crossover* é submetida ao operador mutação (C). A população resultante é a população inicial para um novo ciclo (iteração).



Há outros algoritmos que usam as ideias de evolução, mas são baseados em métodos computacionais distintos. Todos usam como inspiração a evolução, mas sua implementação computacional varia de algoritmo para algoritmo. Um dos algoritmos evolucionários de maior sucesso é o **algoritmo de evolução diferencial**. Na evolução diferencial temos os operadores clássicos dos algoritmos genéticos: seleção, *crossover* e mutação, como mostrados abaixo. Como uma implementação distinta do *crossover*.



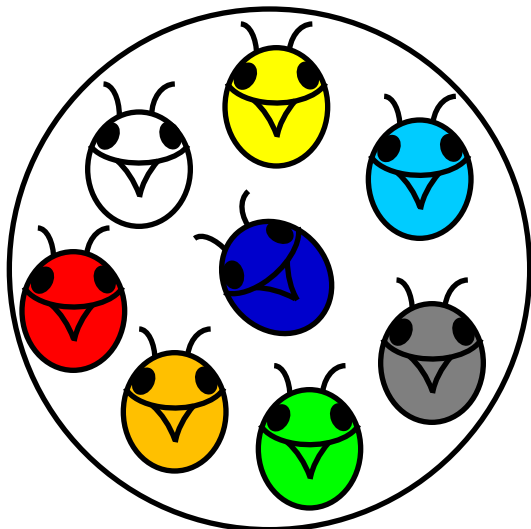
O algoritmo de evolução diferencial executa a parte inicial de geração aleatória de uma população com N cromossomos, em seguida avalia a função ajuste de cada cromossomo. A novidade está na formação cromossomos filhos. O filhos são gerados da seguinte forma, para cada cromossomo pai na população, chamado aqui cromossomo j , são escolhidos aleatoriamente três outros cromossomos pais distintos, cromossomos k , l e m . Calcula-se um novo cromossomo, chamado aqui de n , da seguinte forma:

$$\text{cromossomo}(n) = \text{cromossomo}(m) + \text{peso} \cdot [\text{cromossomo}(k) - \text{cromossomo}(l)]$$

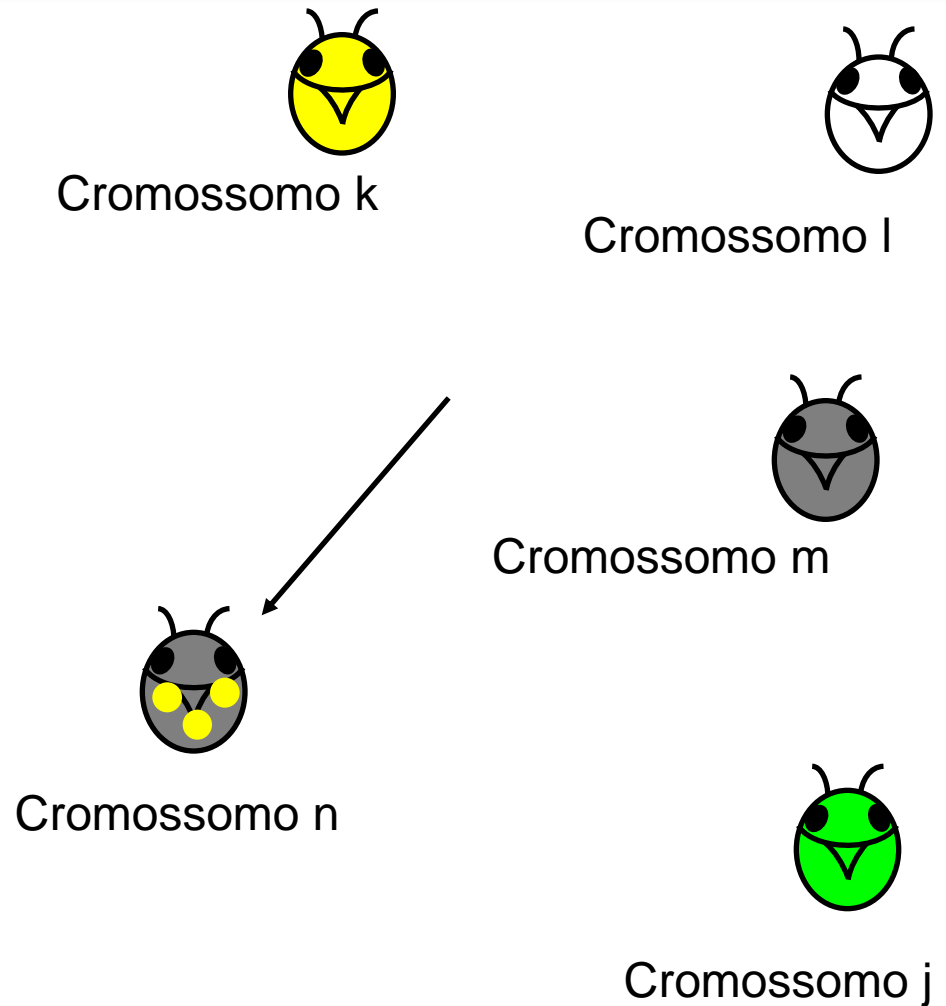
o peso varia entre 0 e 2.

O cromossomo novo (n) será incorporado à população, se ao gerarmos um número aleatório entre 0 e 1, este for menor que a probabilidade de *crossover*, caso não seja, o cromossomo filho não é considerado. Um último teste é realizado no cromossomo filho n , se este apresenta função score maior que o cromossomo pai j , caso seja, o cromossomo j é deletado e substituído pelo cromossomo n . As etapas seguintes são idênticas ao algoritmo genético original. Estamos considerando aqui que a função ajuste de maior valor é a que representa um indivíduo mais bem adaptado. Veja, este critério depende do tipo de problema a ser resolvido pelo algoritmo evolucionário.

Na implementação do algoritmo de evolução diferencial, como nos algoritmos genéticos, o primeiro passo é gerar indivíduos de forma aleatória, como no exemplo das joaninhas.



No passo seguinte, calculamos a função ajuste, que indica a adaptação de cada indivíduo. Depois aplicamos o operador *crossover*, descrito anteriormente, onde três joaninhas pais (joaninhas cinza, branca e amarela) geram uma joaninha filha, para cada cromossomo pai (joaninha verde), como mostrado ao lado.



$$\text{cromossomo}(n) = \text{cromossomo}(m) + \text{peso} \cdot [\text{cromossomo}(k) - \text{cromossomo}(l)]$$

Considerando que o cromossomo n passou no teste da probabilidade de *crossover*, e que tem função ajuste maior que a do pai (cromossomo j), este ocupa o lugar do pai, ou seja, o cromossomo j é deletado e substituído pelo cromossomo n . Por último, aplicamos a mutação, onde selecionamos aleatoriamente cromossomos filhos. O critério para escolher se um cromossomo filho sofrerá mutação, é a probabilidade de mutação (P_m). Geramos um número aleatório entre 0 e 1, se este número for menor ou igual à probabilidade de mutação, a mutação ocorre, caso contrário não. Testamos a condição de mutação para todos os cromossomos filhos. Terminamos um ciclo da evolução, ou iteração. O processo se repete um número finito de vezes.



Cromossomo j é deletado e substituído pelo n

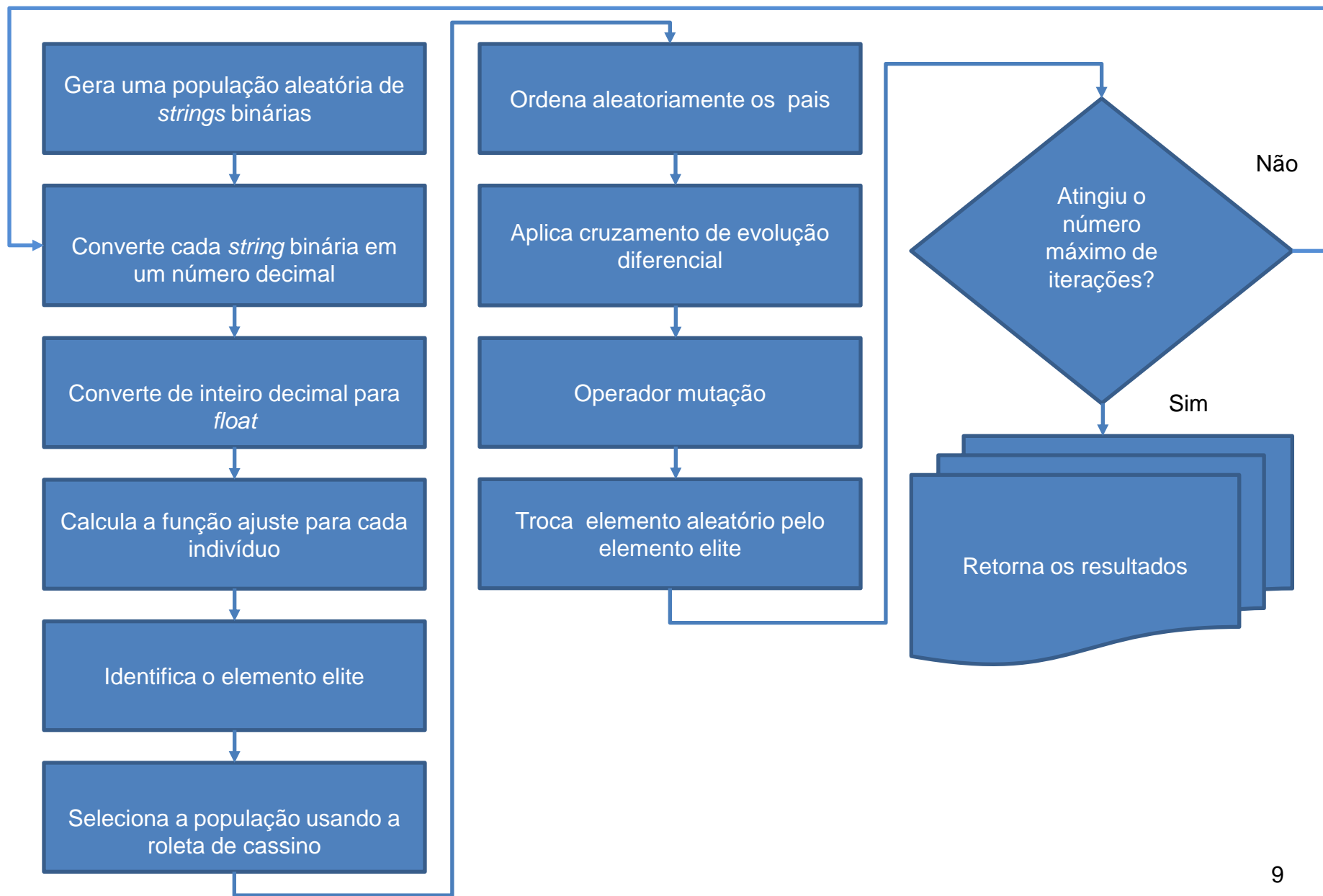


Cromossomo n

Mutação



Cromossomo n mutado



Projeto 3 - Algoritmo de Evolução Diferencial para Funções de Duas Variáveis

Programa: *de01.py*

Data de entrega: 28/07/2017

Modifique o código do programa *Iga03.py* (projeto 2), de forma que o programa ache o máximo ou o mínimo de uma função de duas variáveis ($f(x,y)$) a partir do algoritmo de evolução diferencial. O programa deve gerar o gráfico da função de duas variáveis.

O novo programa não terá a classe *Touche* para desenhar as tartarugas.

Deve ser entregue o código (*de01.py*), bem como um **arquivo PDF** na forma de relatório com os testes para identificação do mínimo para todas as funções de duas variáveis indicadas no site www.python4stem.net. Usem o código *sphere.py* como modelo para programarem classes para cada uma das funções testes.

O relatório deve conter uma tabela com as seguintes informações para cada função teste.

Função	Equação	Mínimo Global	Intervalo	Parâmetros usados no <i>de.in</i>	Mínimo Global Obtido
Sphere	$f(x,y) = x^2+y^2$	$f(0,0) = 0$	$-5.12 < x,y < 5.12$		
Ackley					
Bukin Function N. 6					

Devem ser usados os seguintes parâmetros como entrada (arquivo *de.in*):

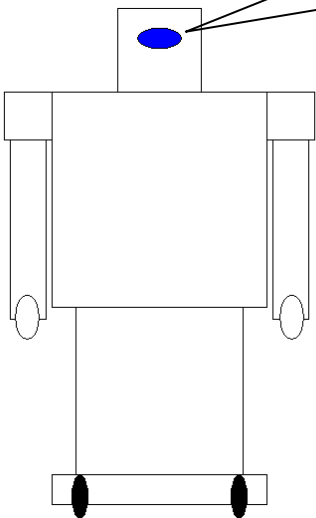
Set up initial values for DE

```
weight_in = 1.5           # Weight to be used in the new crossover operator  
pop_size = 500           # Population size  
max_iter = 100          # Number of iterations  
p_cross = 0.8           # Probability of crossover  
len_str1 = 36           # Length of strings 1  
len_str2 = 36           # Length of strings 2  
p_mut = 0.01            # Probability of mutation_Coley_algo_03  
seed = 12345            # Seed for generation of random number  
min_f = -5.12           # Minimum float  
max_f = 5.12           # Maximum float  
type_of_opt = "min"     # Type of optimization (to find maximum or minimum)
```

Os valores atribuídos aos parâmetros acima são apenas ilustrativos, vocês devem testar o melhor conjunto de parâmetros para cada função teste.

Algumas funções teste têm domínios distintos para o eixo x e y , o programa *de01.py* considera domínios idênticos para os eixos x e y . Assim, considere *min_f* e *max_f* o mais abrangente possível, o suficiente para incluir ambos domínios.

This text was produced in a HP Pavillon dm4 notebook with 6GB of memory, a 500 GB hard disk, and an Intel® Core® i7 M620 CPU @ 2.67 GHz running Windows 7 Professional. Text and layout were generated using PowerPoint 2007. The image on the first slide was taken from <http://briandcolwell.com/2017/02/artificial-intelligence-the-big-list-of-things-you-should-know/.html> on March 26th 2017. This text uses Arial font.



- BRESSERT, Eli. **SciPy and NumPy**. Sebastopol: O'Reilly Media, Inc., 2013. 57 p. [Link](#)
- DAWSON, Michael. **Python Programming, for the Absolute Beginner**. 3ed. Boston: Course Technology, 2010. 455 p.
- COLEY, David A. **An Introduction to Genetic Algorithms for Scientists and Engineers**. Singapore: World Scientific Publishing Co. Pte. Ltd., 1999. 227 p.
- EIBEN, A. E., SMITH, J. E. **Introduction to Evolutionary Computing. Natural Computing Series**. 2nd ed. Berlin: Springer-Verlag, 2015. 287 p. [Link](#)
- HACKELING G. **Mastering Machine Learning with scikit-learn**. Birmingham: Packt Publishing Ltd., 2014. 221 p. [Link](#)
- HETLAND, Magnus Lie. **Python Algorithms. Mastering Basic Algorithms in the Python Language**. 2ed. Nova York: Springer Science+Business Media LLC, 2010. 294 p. [Link](#)
- IDRIS, Ivan. **NumPy 1.5. An action-packed guide dor the easy-to-use, high performance, Python based free open source NumPy mathematical library using real-world examples. Beginner's Guide**. Birmingham: Packt Publishing Ltd., 2011. 212 p. [Link](#)
- LUTZ, Mark. **Programming Python**. 4ed. Sebastopol: O'Reilly Media, Inc., 2010. 1584 p. [Link](#)
- TOSI, Sandro. **Matplotlib for Python Developers**. Birmingham: Packt Publishing Ltd., 2009. 293 p. [Link](#)

Última atualização: 28 de maio de 2017.